

Projekt pn. *Strategia przeciwdziałania uodparnianiu się chwastów na herbicydy jako istotny czynnik zapewnienia zrównoważonego rozwoju agroekosystemu*, akronim BioHerOd*, Umowa Nr BIOSTRATEG3/347445/1/NCBR/2017, współfinansowany przez Narodowe Centrum Badań i Rozwoju w ramach strategicznego programu badań naukowych i prac rozwojowych „Środowisko naturalne, rolnictwo i leśnictwo” – **BIOSTRATEG**

Poznań, dnia 20 lipca 2020 r.

Uczestnicy postępowania
o udzielenie zamówienia publicznego

Dotyczy postępowania na wykonanie usługi sekwencjonowania totalnego RNA metodą NGS (Sekwencjonowanie Następnej Generacji) w ramach Projektu realizowanego przez Zamawiającego – Lidera Konsorcjum – Projekt pn. „Strategia przeciwdziałania uodparnianiu się chwastów na herbicydy jako istotny czynnik zapewnienia zrównoważonego rozwoju agroekosystemu” współfinansowanego przez Narodowe Centrum Badań i Rozwoju w ramach programu „Środowisko naturalne, rolnictwo i leśnictwo” BIOSTRATEG, Umowa Nr BIOSTRATEG3/347445/1/NCBR/2017- znak postępowania: IORPIB/Biostrateg3/OOZ/NGS/2020 z dn. 10/07/2020

Szanowni Państwo

Do treści ogłoszenia o przedmiotowym zamówieniu wpłynęły zapytania. Poniżej przedstawiamy ich treść oraz odpowiedzi Zamawiającego. Odpowiedzi stają się integralną częścią ogłoszenia i są wiążące przy składaniu ofert. Termin składania ofert w przedmiotowym postępowaniu pozostaje bez zmian.

Treść zapytania	Odpowiedź Zamawiającego
Zamawiający zakłada losowe sprawdzenie jakości 5 próbek w puli. Jeśli dobrze zrozumiałem, spośród tych 5 mają zostać wybrane dwie o najlepszych parametrach celem przejścia do etapu III?	Losowe sprawdzenie 5 próbek z puli 34 próbek (dwóch przeznaczonych do analiz w etapie III oraz 32 próbek przeznaczonych do analiz w etapie V), które będą poddane analizie NGS. Wstępna analiza jakości ma na celu potwierdzić wystarczającą jakość próbek, aby mogły zostać poddane wybranej metodzie NGS (odpowiednia wartość parametru RIN).
Etap III to sekwencjonowanie dwóch określonych próbek celem uzyskania sekwencji referencyjnej. Niestety ogłoszenie nie wspomina o tym, czy w skład usługi ma wchodzić analiza bioinformatyczna polegająca na składaniu transkryptomu de-novo. Wspomina jedynie o przekazaniu "transkryptomu referencyjnego". Proszę o doprecyzowanie tej kwestii.	W skład usługi NIE wchodzi analiza bioinformatyczna polegająca na składaniu transkryptomu de-novo.
Etap V: Czy w grę wchodzi ponowna analiza już sprawdzonych próbek (32), czy też próbek jeszcze nie poddanych kontroli jakości (29)?	W grę wchodzi analiza jakości tylko tych próbek, które nie zostały jej wcześniej poddane.
Etap VI: analiza ekspresji genów. Nie da się wykonać czterech porównań pomiędzy dwoma grupami: e.g. grupa kontrolna- grupa badana. Jedno porównanie. Prosiłbym o doprecyzowanie schematu analizy, tj. faktyczna ilość grup, ich liczebność (np. 4 grupy po 6 próbek) i potrzebną ilość porównań	Są 4 grupy po 8 próbek. Porównań (grupa badana vs grupa kontrolna) ma być 4.

DYREKTOR



prof. dr hab. Marek Mrówczyński